

| | | | | |
|--|--|---|-------------|-----|
| | ONCOPELE CLAUDIOUS REGAUD Laboratoire de Biologie Médicale Oncologique | CATALOGUE DES EXAMENS DU LABORATOIRE DE BIOLOGIE MEDICALE DE L'ONCOPELE CLAUDIOUS REGAUD | LBM-FT-0214 | 074 |
|--|--|---|-------------|-----|

Rédacteur Etienne CHATELUT, Christine TOULAS, Samuel FORCET, Virginie ARMAND LABIT, Samir DAHIMENE, Laurence MALARD, Anne PRADINES, Marie Christine ZIMOCH
04 déc. 2025

Validateur Laurence MALARD (Biologue LBMO)
04 déc. 2025

Approbateur Marie Christine ZIMOCH (Référent Accréditation LBMO)
04 déc. 2025

Diffusion: LBMO_BEC

Ligne de portée BM BB01: modification du délai de rendu maximum pour le paramètre orosomucoidé
Modifications par rapport à la version précédente : Correction apportée encart contact LBMO

DATE D'APPLICATION:
08 déc. 2025

Contactez le laboratoire pour toute réclamation ou question:
tél: 05.31.15.52.01
LBMO@iuct-oncopole.fr

*Valeur du B = 0,26 eu

| BM PP02 - Biologie Médicale / Phases pré et postanalytiques | |
|---|--|
| Tous les prélèvements sont réalisés hors LBMO . | |

| Liste détaillée des examens/analyses couverts par l'accréditation Analyse accréditée selon la norme NF EN ISO 15189 v 2022 (attestation N°8-3227 disponible sur www.cofrac.fr) | | | | | | | | | | | |
|---|--|---|-------------------------------|---|-----------|---|---|---|--|---|---|
| Site | Lieu de réalisation des opérations (Sites EBMD/pôles cliniques/services cliniques pour les EBMD, service/UF, ...) | Spécialité | Code de portée (SH INF 50) | Examen | Accrédité | Nature de l'échantillon biologique (sang et dérivés, urine, selles, ...) | Cotation B* ou RHIN ou Liste Complémentaire | Délai de rendu maximum à partir de la réception de l'échantillon au laboratoire Lundi à Vendredi | Principe de la méthode (Préciser l'identification de l'équipement si méthode automatisée et le nombre ou préciser méthode manuelle, ainsi que la technique mise en œuvre) | Référence de la méthode (Préciser la référence du ou des documents et leur version, et le cas échéant, méthode adaptée/développée) | Evolution (ajout, changement affectant les performances de la méthode, ...) et Remarque Année prévisionnelle de la demande d'extension |
| IUCT-O | Biochimie spécialisée | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM BB01 | ACE | OUI | Sérum | B 45 | 1j | Kryptor Gold série K00228 Automate Kryptor * immunofluorescence | Coffret BRAHMS n°917100N IBM MO 0152 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM BB01 | ACIDE URIQUE | OUI | Sérum | B 6 | 4h 1h30 en urgence | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® spectrophotométrique | Coffret Siemens URCA n°P9717077,001 IBM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM BB01 | ALBUMINE | OUI | Sérum | B 6 | 4h 1h30 en urgence | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® spectrophotométrique | Coffret Siemens ALB n°10864921, FR IBM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie spécialisée | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM BB01 | AFP [AlphaFetoProtéine] | OUI | Sérum | B 50 | 1j 3h en urgence | Kryptor Gold série K00228 Automate Kryptor * immunofluorescence | Coffret BRAHMS n°916075N IBM MO 0152 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM BB01 | AMYLAZÉ | OUI | sérum | B 6 | 4h | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® méthodologie IFCC 32° | Coffret Siemens AMY n°P9717017,003 IBM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM BB01 | BICARBONATES TOTAUX (Réserve Alcaline) | OUI | Sérum | B 6 | 4h 1h30 en urgence | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® spectrophotométrique | Coffret Siemens ECO2 n°P9717137,101 IBM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM BB01 | BILIRUBINE DIRECTE | OUI | sérum | B à voir B 8 avec BIUT si nécessaire | 4h | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® spectrophotométrique | Coffret Siemens DBI 10865434, FR IBM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM BB01 | BILIRUBINE TOTALE | OUI | sérum | B 6 | 4h | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® spectrophotométrique | Coffret Siemens TBI 10865475, FR IBM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie spécialisée | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM BB01 | CA 125 | OUI | Sérum | B 45 | 1j 4h en urgence | Kryptor Gold série K00228 Automate Kryptor * immunofluorescence | Coffret BRAHMS n°805075N IBM MO 0152 | |
| IUCT-O | Biochimie spécialisée | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM BB01 | CA 15,3 | OUI | Sérum | B 45 | 1j 3h en urgence | Kryptor Gold série K00228 Automate Kryptor * immunofluorescence | Coffret BRAHMS n°808075N IBM MO 0152 | |
| IUCT-O | Biochimie spécialisée | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM BB01 | CA 19,9 | OUI | Sérum | B 45 | 1j | Kryptor Gold série K00228 Automate Kryptor * immunofluorescence | Coffret BRAHMS n°916075N IBM MO 0152 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM BB01 | CALCIUM | OUI | sérum | B 6 | 4h 1h30 en urgence | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® spectrophotométrique | Coffret Siemens CA n°P971723,002 IBM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM BB01 | CHLORE | OUI | Sérum | B 9 | 4h | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® spectrophotométrique | Coffret Siemens QuikLYTE® IMT 10865217,003 IBM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM BB01 | CHLORE URINAIRE | OUI | Urides | B 12 avec Na+ et K+ | 8h | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® Potentiométrie indirekte | Coffret Siemens QuikLYTE® IMT 10865209,003 IBM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM BB01 | CHOLESTÉROL | OUI | Sérum | B 5 | 4h | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® spectrophotométrique | Coffret Siemens CHOL n°P9717027001 IBM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie spécialisée | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM BB01 | CHROMOGRANINE A | OUI | Sérum | B 90 | 1 semaine | Kryptor Gold série K00228 Automate Kryptor * immunofluorescence | Coffret BRAHMS n°893005N IBM MO 0152 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM BB01 | CREATININNE | OUI | Sérum | B 6 | 4h 1h30 en urgence | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® Enzymatique IDMS | Coffret Siemens ECR n°P971720,003 IBM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM BB01 | CREATINE KINASE | NON | Sérum | B 6 | 4h | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® spectrophotométrique | Coffret Siemens CKI P71708,011 IBM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM BB01 | CREATININNE URINAIRE | OUI | Urides | B 6 | 8h | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® Enzymatique IDMS | Coffret Siemens ECR n°P971722,003 IBM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM BB01 | CRP | OUI | sérum | B 7 | 4h | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® Immunoréactimétrie | Coffret Siemens RCP n°P971734,001 IBM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM BB01 | CYSTATINE C | Non | Sérum | LC | 4h | Automette BN-PrisPE® Immunonéphélimétrie | Coffret Siemens QDNM 10865217,003 IBM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM BB01 | FER | OUI | Sérum | B 7 | 4h | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® spectrophotométrique | Coffret Siemens IRDN 10865217, FR IBM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie spécialisée | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM BB01 | FERRITINE | OUI | Sérum | B 17 | 5h 1j : En cas de maintenance analyseur. | Automette 6000 / série 902359 *Immunoluminescence | Coffret Beckman C654647,001 IBM MO 0152 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM BB01 | GAMMA GT | OUI | sérum | B 5 | 4h | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® méthodologie enzymatique IFCC 32° | Coffret Siemens GGT n°P971045,002 IBM MO 0039 | |
| IUCT-O | Pôle CHU / Service Réanimation | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM BB06 | Gaz du Sang (pH, pCO ₂ , pO ₂), Natrémie, Hémoglobine totale, Calcium ionisé, Kaliémie, Lactates et Glycémie*en EBMD | OUI | Seringue héparinée dédiée sang total | B 70 | 30 minutes maximum, température ambiante | GEM 5000 / n° de série : 22031537 Potentiométrie directe et *Ampermétrie | Cassette WEBEN N°000240292,18 IBM MO 0153 | |
| IUCT-O | Pôle ICR / Service SSP | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM BB06 | Gaz du Sang (oxymétrie) en EBMD | Non | Seringue héparinée dédiée sang total | B 25 (méthémoglobine) | 30 minutes maximum, température ambiante | GEM 5000 / n° de série : 22031537 Potentiométrie directe et spectrophotométrie *Ampermétrie | Cassette WEBEN N°000240292,18 IBM MO 0153 | |
| IUCT-O | Pôle CHU / Service Réanimation | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM BB06 | Gaz du Sang (oxymétrie) en EBMD | Non | Seringue héparinée dédiée sang total | B 25 (méthémoglobine) | 30 minutes maximum, température ambiante | GEM 5000 / n° de série : 22072107 Potentiométrie directe et spectrophotométrie *Ampermétrie | Cassette WEBEN N°000240292,18 IBM MO 0153 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM BB01 | GLUCOSE | OUI | Sérum | B 5 | 1h30 en urgence | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® spectrophotométrique | Coffret Siemens GLUC 10865062, FR IBM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM BB01 | GLUCOSE | Non | LCR | B 10 | 8h | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® spectrophotométrique | Coffret Siemens GLUC 10865062, FR IBM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM BB01 | GLUCOSE URINAIRE | OUI | Urides | B 6 | 8h | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® spectrophotométrique | Coffret Siemens GLUC 10865062, FR IBM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM BB01 | HAPTOGLOBINE | Non | Sérum | B 20 | 4h | Automette BN-PrisPE® Immunonéphélimétrie | Coffret Siemens OSAV IBM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie spécialisée | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM BB01 | HCG grossesse (HCG climatique + chaîne β libre) | OUI | Sérum | B 25 | 1j 2h en urgence | Kryptor Gold série K00228 Automate Kryptor * Immunofluorescence | Coffret BRAHMS n°941050N IBM MO 0152 | |

| Site | Lieu de réalisation des opérations (Sites EBMD/pôles cliniques/services cliniques pour les EBMD, service/UF, ...) | Spécialité | Code de portée (SH INF 50) | Examen | Accrédité | Nature de l'échantillon biologique (sang et dérivés, urine, selles, ...) | Cotation B* ou RIHN ou Liste Complémentaire | Délai de rendu maximum à partir de la réception de l'échantillon au laboratoire Lundi à Vendredi | Principe de la méthode (Préciser l'identification de l'équipement si méthode automatisée et le nombre ou préciser méthode manuelle, ainsi que la technique mise en œuvre) | Référence de la méthode (Préciser la référence du ou des documents et leur version, et le cas échéant, méthode adaptée/développée) | Evolution (ajout, changement affectant les performances de la méthode,...) et Remarque Année prévisionnelle de la demande d'extension |
|--------|--|---|-------------------------------|--------------------------------------|-----------|---|---|---|--|---|--|
| IUCT-O | Biochimie spécialisée | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM 8801 | HCG (HCG dimérique + chaîne β libre) | OUI | Sérum | B 25 | 1j 1h en urgence | Kryptor Gold série K60228 Automate Kryptor® immunofluorescence | Coffret BRAHMS n°841050N IHM MO 0152 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM 8801 | LDH | OUI | sérum | B 6 | 4h 1h30 en urgence | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® méthode enzymatique IFCC 37°C | Coffret Siemens ID n°PN717054_001 IHM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM 8801 | UPLACE | OUI | sérum | B 6 | 4h | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® méthode enzymatique IFCC 37°C | Coffret Siemens UP n°11417324 rev 01 2012-11 IHM MO 0153 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM 8801 | MAGNESEUM | OUI | sérum | B 6 | 4h | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® méthode enzymatique IFCC 37°C | Coffret Siemens MG n°PN717057_001 IHM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie spécialisée | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM 8801 | NSE (NeuroSpécifique Émolase) | OUI | Sérum non hémolyté | B 79 | 15 jours maximum | Kryptor Gold série K60228 Automate Kryptor® immunofluorescence | Coffret BRAHMS n°821050N IHM MO 0152 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM 8801 | NT-ProBNP | Non | Plasma hépariné | B 45 | 4h | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 Automate BN-ProSPÉ® Immunonéphélimétrie | Coffret Siemens NTP n°10865022_FR IHM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM 8801 | OROSOMUCOÏDE | Non | sérum | B 30 | 5 jours Réalisé 1 fois par semaine le vendredi | Automate BN-ProSPÉ® Immunonéphélimétrie | Coffret Siemens NAS AAG n°OSAW IHM MO 0072 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM 8801 | PHOSPHATASES ALCALINES | OUI | Sérum | B 5 | 4h | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® méthode enzymatique IFCC 37°C | Coffret Siemens ALP1 n°1064930 IHM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM 8801 | PHOSPHORE | OUI | sérum | B 6 | 4h | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® Potentiometrie/indirecte | Coffret Siemens PHOS n°120718875_FR IHM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM 8801 | POTASSIUM | OUI | Sérum ou plasma hépariné | B 5 | 4h 1h30 en urgence | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® Potentiometrie/indirecte | Coffret Siemens QuikLYTE® IMT IHM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM 8801 | POTASSIUM URINAIRE | OUI | Urides | B 6 | 8h | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® Potentiometrie/indirecte | Coffret Siemens QuikLYTE® IMT IHM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM 8801 | PRE-ALBUMINE | OUI | Sérum | B 19 | 4h | EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® Immunonéphélimétrie | Coffret Siemens PALB n°10865210_FR IHM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM 8801 | PROTEINES TOTALES | OUI | Sérum | B 6 | 4h 1h30 en urgence | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® Immunonéphélimétrie | Coffret Siemens TP 10865170_FR IHM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM 8801 | PROTEINES TOTALES | Non | Sérum | B 9 | 4h 1h30 en urgence | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® Potentiometrie/indirecte | Coffret Siemens UCFP n°PN717026_001 IHM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM 8801 | PROTEINES URINAIRES | OUI | Urides | B 6 | 8h | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® Potentiometrie/indirecte | Coffret Siemens UCFP n°PN717026_001 IHM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie spécialisée | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM 8801 | PSA Totale | NON | Sérum | B 30 | 1j | Kryptor Gold série K60228 Automate Kryptor® immunofluorescence | Coffret BRAHMS n°810100N IHM MO 0152 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM 8801 | RECEPTEURS SOLUBLES TRANSFERRINE | Non | Sérum | B 60 | 4h | Automate BN-NSPÉ® Immunonéphélimétrie | Coffret Siemens N_STFR n°ODTC IHM MO 0072 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM 8801 | SODIUM | OUI | Sérum (sodium, potassium et éventuellement chloré) | B 9 | 4h 1h30 en urgence | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® Potentiometrie/indirecte | Coffret Siemens AST n°PN717041_002 IHM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM 8801 | SODIUM URINAIRE | OUI | Urides | B 6 | 8h | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® Potentiometrie/indirecte | Coffret Siemens QuikLYTE® IMT IHM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie spécialisée | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM 8801 | T3L | OUI | Sérum | B 65 | 5h 1j : En cas de maintenance analyseur. | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate BN-NSPÉ® Immunofluorescence | Coffret Beckman EXL 600 n°série 902359 rév 02/2023 IHM MO 0154 | |
| IUCT-O | Biochimie spécialisée | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM 8801 | T4L | OUI | Sérum | B 27 | 5h 1j : En cas de maintenance analyseur. | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate BN-NSPÉ® Immunofluorescence | Coffret Beckman CS5651D IHM MO 0154 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM 8801 | TGO/ASAT | OUI | sérum | B 6 | 4h 1h30 en urgence | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® méthod enzymatique IFCC 37°C | Coffret Siemens AST n°PN717041_002 IHM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM 8801 | TGP/ALT | OUI | sérum | B 6 | 4h 1h30 en urgence | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® méthod enzymatique IFCC | Coffret Siemens ALT n°10875429_DR IHM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie spécialisée | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM 8801 | THYROGLOBULINE | OUI | Sérum | B 60 | 5h 1j : En cas de maintenance analyseur. | Automate BN 600 n°série 902359 * Immunochimiluminescence | Coffret Beckman C71762 CR7996 D octobre2023 IHM MO 0154 | |
| IUCT-O | Biochimie spécialisée | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM 8801 | THYROGLOBULINE | OUI | Sérum | B 60 | 5h 1j : En cas de maintenance analyseur. | Automate BN 600 n°série 902359 * Immunochimiluminescence | Coffret Beckman C71762 CR7996 D octobre2023 IHM MO 0154 | |
| IUCT-O | Biochimie spécialisée | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM 8801 | TRANSFERRINE | OUI | Sérum | B 14 | 4h | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® méthod enzymatique IFCC | Coffret Siemens TRN n°10865111_FR IHM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM 8801 | TRIGLYCERIDES | OUI | Sérum | B 6 | 4h | EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 Automate Dimension® spectrophotométric | Coffret Siemens TGL n°10853161_FR IHM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM 8801 | TROPONINE I Hautement Sensible | Non | Plasma hépariné | B 50 | 4h 1h30 en urgence | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® spectrophotométric | coffret Siemens TN10 n°PN10866031 IHM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie spécialisée | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM 8801 | TSH | OUI | Sérum | B 20 | 5h 1j : En cas de maintenance analyseur. | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate BN 600 n°série 902359 * Immunochimiluminescence | Coffret Beckman C70700 décebre2021 rév 02/2023 IHM MO 0154 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM 8801 | UREE | OUI | Sérum | B 5 | 4h 1h30 en urgence | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® méthod enzymatique IFCC 37°C | Coffret Siemens BUN n°PN717021_001 IHM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie de réponse rapide | Biochimie générale et spécialisée (BIOCHBM) | BM 8801 | UREE URINAIRE | OUI | Urides | B 0 | 8h | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® spectrophotométric | Coffret Siemens BUN n°PN717021_001 IHM MO 0039 | |
| IUCT-O | Biochimie spécialisée | Astu-Immunité (AUTOIMMUNOIM) | BM 8801 | ANTICORPS ANTITHYROIDIENNE | OUI | Sérum | B 55 | 5h 1j : En cas de maintenance analyseur. | EXL with LM dit "EXL4" DR 252 084 EXL with LM dit "EXL3" DR 252 083 Automate Dimension® spectrophotométric | Coffret Beckman C6552 D octobre2023 IHM MO 0154 | |
| IUCT-O | Pharmacologie | Pharmacologie - Toxicologie (PHARMACOSTPB - TOXICOBM) | BM PT03 | CABOZANTINIB | Non | Plasma | B 140 | Max 15j | Identification et mesure quantitative par chromatographie liquide avec détection par spectrométrie de masse (Chime Waters UPLC Aquity -TQD Detector) | B (Méthode développée) IHM MO 0123 | |
| IUCT-O | Pharmacologie | Pharmacologie - Toxicologie (PHARMACOSTPB - TOXICOBM) | BM PT03 | DASATINIB | OUI | Plasma | B 140 | Max 15j | Identification et mesure quantitative par chromatographie liquide avec détection par spectrométrie de masse (Chime Waters UPLC Aquity -TQD Detector) | B (Méthode développée) IHM MO 0125 | |
| IUCT-O | Pharmacologie | Pharmacologie - Toxicologie (PHARMACOSTPB - TOXICOBM) | BM PT03 | IBRUTINIB | OUI | Plasma | B 140 | Max 15j | Identification et mesure quantitative par chromatographie liquide avec détection par spectrométrie de masse (Chime Waters UPLC Aquity -TQD Detector + Analyse bayésienne des données de concentrations en résultats avec le logiciel R) | B (Méthode développée) IHM MO 0125 | |
| IUCT-O | Pharmacologie | Pharmacologie - Toxicologie (PHARMACOSTPB - TOXICOBM) | BM PT03 | IMATINIB | OUI | Plasma | B 140 | Max 15j | Identification et mesure quantitative par chromatographie liquide avec détection par spectrométrie de masse (Chime Waters UPLC Aquity -TQD Detector) | B (Méthode développée) IHM MO 0125 | |
| IUCT-O | Pharmacologie | Pharmacologie - Toxicologie (PHARMACOSTPB - TOXICOBM) | BM PT03 | METHOTREXATE | OUI | Sérum | B 80 | prolifération réduite 90-95%, délai max = 6h prolifération réduite entre 90-95% et 15%, délai max = 9h prolifération réduite après 15h sans dosage le lendemain matin (rendu 12h-30, délai max = 21,5h) | Identification et mesure quantitative par chromatographie liquide avec détection par spectrométrie de masse (Chime Waters UPLC Aquity -TQD Detector + UPLC/TQ-S N3 et UPLC/TQ-2 N3) | B (Méthode développée) IHM MO 0122 | |
| IUCT-O | Pharmacologie | Pharmacologie - Toxicologie (PHARMACOSTPB - TOXICOBM) | BM PT03 | NILOTINIB | OUI | Plasma | B 140 | Max 15j | Identification et mesure quantitative par chromatographie liquide avec détection par spectrométrie de masse (Chime Waters UPLC | | |

| Site | Lieu de réalisation des opérations (Sites EBMD/pôles cliniques/services cliniques pour les EBMD, service/UF, ...) | Spécialité | Code de portée (SH INF 50) | Examen | Accrédité | Nature de l'échantillon biologique (sang et dérivés, urine, selles, ...) | Cotation B* ou RIHN ou Liste Complémentaire | Délai de rendu maximum à partir de la réception de l'échantillon au laboratoire Lundi à Vendredi | Principe de la méthode (Préciser l'identification de l'équipement si méthode automatisée et le nombre ou préciser méthode manuelle, ainsi que la technique mise en œuvre) | Référence de la méthode (Préciser la référence du ou des documents et leur version, et le cas échéant, méthode adaptée/développée) | Evolution (ajout, changement affectant les performances de la méthode,...) et Remarque Année prévisionnelle de la demande d'extension |
|--------|--|---|-------------------------------|--|-----------|---|---|---|---|---|--|
| IUCT-O | Pharmacologie | Pharmacologie - Toxicologie (PHARMACOSTPB - TOXICOBM) | BM PT03 | PAZOPANIB | Non | Plasma | B 140 | Max 15j | Extraction liquide Identification et mesure quantitative par chromatographie liquide avec détection par spectrométrie de masse [Chaine Waters UPLC Acuity - TQD Detector] Extraction liquide (manuel ou automatisé) Mesure quantitative par chromatographie liquide avec détection par spectrométrie de masse [Chaine Waters UPLC Acuity - TQD Detector : TQDn*2 (ajout du TD04 en back-up)] | B (Méthode développée) IHM MO 0106 | |
| IUCT-O | Pharmacologie | Pharmacologie - Toxicologie (PHARMACOSTPB - TOXICOBM) | BM PT03 | PHENOTYPAGE DPD : RAPPORT IUDI/U | OUI | Plasma | B 120 | Max 10j | Extraction liquide Mesure quantitative par chromatographie liquide avec détection par spectrométrie de masse [Chaine Waters UPLC Acuity - TQD Detector : TQDn*2 (ajout du TD04 en back-up)] | B (Méthode développée) IHM MO 0126 IHM MO 0168 | |
| IUCT-O | Pharmacologie | Pharmacologie - Toxicologie (PHARMACOSTPB - TOXICOBM) | BM PT03 | S-FLUORO-URACILE PLASMATIQUE | OUI | Plasma | B 120 | Max 7j | Extraction liquide Mesure quantitative par chromatographie liquide avec détection par spectrométrie de masse [Chaine Waters UPLC Acuity - TQD Detector : TQDn*2 (ajout du TD04 en back-up)] | B (Méthode développée) IHM MO 0126 | |
| IUCT-O | Pharmacologie | Pharmacologie - Toxicologie (PHARMACOSTPB - TOXICOBM) | BM PT03 | VENETOCLAX | Non | Plasma | B 140 | Max 15j | Extraction liquide Mesure quantitative par chromatographie liquide avec détection par spectrométrie de masse [Chaine Waters UPLC Acuity - TQD Detector] | B (Méthode développée) IHM MO 0147 | |
| IUCT-O | Pharmacologie | Pharmacologie - Toxicologie (PHARMACOSTPB - TOXICOBM) | BM PT04 | LENVATINIB | Non | Plasma | B 140 | Max 15j | Extraction liquide Mesure quantitative par chromatographie liquide avec détection par spectrométrie de masse [Chaine Waters UPLC Acuity - TQD Detector] | B (Méthode développée) IHM MO 0147 | |
| IUCT-O | Pharmacologie | Pharmacologie - Toxicologie (PHARMACOSTPB - TOXICOBM) | BM PT06 | PLATINE | OUI | Ultrafiltrat plasmatique | B 140 | Si urgent : 4h Cinétique et adaptation à 13 - 48h Si non urgent : adapté selon date de la cure suivante | Extraction liquide Mesure quantitative par spectrométrie d'absorption SAA Perkin Elmer ProAria® 200 i + Analyse bayésienne des données de concentrations en carboplatine ultrafiltrable avec le logiciel R ou le logiciel NORMATEM | B (Méthode développée) IHM MO 0003 IHM MO 0101 IHM MO 0135 | |
| IUCT-O | Pharmacologie | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC04 | GENOTYPAGE UGT1A1 [diagnostic des maladies de Gilbert exclu] | OUI | Sang total ADN | LC | Max 15j | génotype : Discrimination allélique par Tagman et/ou séquençage : extraction sur Easy two | B (Méthode développée) IHM MO 0109 IHM MO 0099 IHM MO 0124 | |
| IUCT-O | Pharmacologie | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC04 | GENOTYPAGE DPD [uniquement sur proposition et après accord du biologiste] | Non | Sang total ADN | RIHN | Max 10j | génotype : Discrimination allélique par Tagman et/ou séquençage : extraction sur Easy two | B (Méthode développée) IHM MO 0102 IHM MO 0100 IHM MO 0169 | |
| IUCT-O | Pharmacologie | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC04 | GENOTYPAGE TPMT | OUI | Sang total ADN | LC | Max 15j | génotype : Discrimination allélique par Tagman et/ou séquençage : extraction sur Easy two | B (Méthode développée) IHM MO 0093 IHM MO 0099 IHM MO 0169 | |
| IUCT-O | Pharmacologie | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC04 | GENOTYPAGE MTHFR | OUI | Sang total ADN | RIHN | Max 15j | génotype : Discrimination allélique par Tagman et/ou séquençage : extraction sur Easy two | B (Méthode développée) IHM MO 0175 IHM MO 0169 | |
| IUCT-O | Pharmacologie | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC04 | GENOTYPAGE NUDT15 | OUI | Sang total ADN | RIHN | Max 15j | génotype : Discrimination allélique par Tagman et/ou séquençage : extraction sur Easy two | B (Méthode développée) IHM MO 0099 IHM MO 0169 | |
| IUCT-O | Oncogénétique | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC07 | Panel HBOC (gènes BRCA1, BRCA2, COH1, EPICAM, MSH1, MSH2, MSH6, PALB2, PMS2, PTEN, RAD51D, TP53) | OUI | Sang total ADN | RIHN | urgence : 15 j Standard : 12 mois maximum | Séquençage NGS puis Recherche de la variation du nombre de copie (CNV) Séquençage NGS : extraction acides nucléiques : Easy two, Qasymphony,PCR. Séquençage haut débit : Traitement bio-informatique interne : Biossanova | B (Méthode adaptée et développée) IHM MO 0015 IHM MO 0037 IHM MO 0023 IHM MO 0034 IHM MO 0049 IHM MO 0116 IHM MO 0115 IHM MO 0127 IHM MO 0132 | |
| IUCT-O | Oncogénétique | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC07 | Panel DIGE (gènes APC, BMPR1A, CDH1, EPCAM, MSH1, MSH2, MSH6, MUTYH, PMS2, POLD1, POLE, PTEN, SMADE, STK11) | OUI | Sang total ADN | RIHN | urgence : 15 j Standard : 12 mois maximum | Séquençage NGS puis Recherche de la variation du nombre de copie (CNV) Séquençage NGS : extraction acides nucléiques : Easy two, Qasymphony,PCR. Séquençage haut débit : Traitement bio-informatique interne : Biossanova | B (Méthode adaptée et développée) IHM MO 0015 IHM MO 0037 IHM MO 0023 IHM MO 0034 IHM MO 0049 IHM MO 0116 IHM MO 0115 IHM MO 0127 IHM MO 0132 | |
| IUCT-O | Oncogénétique | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC07 | Panel PROS (gènes ATM, BARD1, BRCA1, BRCA2, BRIP1, CHEK2, EPICAM, RAD51D, MSH1, MSH2, MSH6, PALB2, PMS2, RAD51C, RAD51D, TP53) | OUI | Sang total ADN | RIHN | urgence : 15 j Standard : 12 mois maximum | Séquençage NGS puis Recherche de la variation du nombre de copie (CNV) Séquençage NGS : extraction acides nucléiques : Easy two, Qasymphony,PCR. Séquençage haut débit : Traitement bio-informatique interne : Biossanova | B (Méthode adaptée et développée) IHM MO 0035 IHM MO 0017 IHM MO 0022 IHM MO 0034 IHM MO 0049 IHM MO 0116 IHM MO 0115 IHM MO 0127 IHM MO 0131 IHM MO 0132 | |
| IUCT-O | Oncogénétique | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC07 | Panel MELA (gènes BAP1, CDK4, CDKN2A (p14 et p16), MCIR, MITF) | OUI | Sang total ADN | RIHN | urgence : 15 j Standard : 12 mois maximum | Séquençage NGS puis Recherche de la variation du nombre de copie (CNV) Séquençage NGS : extraction acides nucléiques : Easy two, Qasymphony,PCR. Séquençage haut débit : Traitement bio-informatique interne : Biossanova | B (Méthode adaptée et développée) IHM MO 0035 IHM MO 0017 IHM MO 0022 IHM MO 0034 IHM MO 0049 IHM MO 0116 IHM MO 0115 IHM MO 0127 IHM MO 0131 IHM MO 0132 | |
| IUCT-O | Oncogénétique | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC07 | Panel PANCI (gènes BRCA1, BRCA2, COH2A (p14 et p16), EPCAM, MSH1, MSH2, MSH6, PALB2, PMS2, STK11) | OUI | Sang total ADN | RIHN | urgence : 15 j Standard : 12 mois maximum | Séquençage NGS puis Recherche de la variation du nombre de copie (CNV) Séquençage NGS : extraction acides nucléiques : Easy two, Qasymphony,PCR. Séquençage haut débit : Traitement bio-informatique interne : Biossanova | B (Méthode adaptée et développée) IHM MO 0035 IHM MO 0017 IHM MO 0022 IHM MO 0034 IHM MO 0049 IHM MO 0116 IHM MO 0115 IHM MO 0127 IHM MO 0131 IHM MO 0132 | |
| IUCT-O | Oncogénétique | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC07 | Panel HBOC THERANOSTIQUE (gènes BRCA1, BRCA2) sur NextSeq Illumina | OUI | Sang total ADN | RIHN | 15 jours | Séquençage NGS puis Recherche de la variation du nombre de copie (CNV) Séquençage NGS : extraction acides nucléiques : Easy two, Qasymphony,PCR. Séquençage haut débit : Traitement bio-informatique interne : Biossanova | B (Méthode adaptée et développée) IHM MO 0015 IHM MO 0037 IHM MO 0023 IHM MO 0034 IHM MO 0049 IHM MO 0116 IHM MO 0115 IHM MO 0127 IHM MO 0131 IHM MO 0132 | |
| IUCT-O | Oncogénétique | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC07 | Panel CCPV3 (Gènes à la demande selon la liste de gènes des panells NGS LBM FT 0362 : contacter préalablement les praticiens en oncogénétique pour la faisabilité et accord) | OUI | Sang total ADN | RIHN | urgence : 15 j Standard : 12 mois maximum | Séquençage NGS puis Recherche de la variation du nombre de copie (CNV) Séquençage NGS : extraction acides nucléiques : Easy two, Qasymphony,PCR. Séquençage haut débit : Traitement bio-informatique interne : Biossanova Gènes analysés dans la liste LBM FT 0362 (à la demande) : | B (Méthode adaptée et développée) IHM MO 0015 IHM MO 0037 IHM MO 0023 IHM MO 0034 IHM MO 0049 IHM MO 0116 IHM MO 0115 IHM MO 0127 IHM MO 0131 IHM MO 0132 | |
| IUCT-O | Oncogénétique | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC07 | Panel DIGE, HBOC, MELA, PANCI, PROS, CCPV3 et autres panells des gènes ; contacter le praticien agréé en oncogénétique | Non | salive | RIHN | A définir avec le praticien agréé en oncogénétique | Séquençage NGS puis Recherche de la variation du nombre de copie (CNV) Séquençage NGS : extraction acides nucléiques : Easy two, Qasymphony,PCR. Séquençage haut débit : Traitement bio-informatique interne : Biossanova | B (Méthode adaptée et développée) IHM MO 0015 IHM MO 0037 IHM MO 0023 IHM MO 0034 IHM MO 0049 IHM MO 0116 IHM MO 0115 IHM MO 0127 IHM MO 0131 IHM MO 0132 | |

| Site | Lieu de réalisation des opérations (Sites EBMD/pôles cliniques/services cliniques pour les EBMD, service/UF, ...) | Spécialité | Code de portée (SH INF 50) | Examen | Accrédité | Nature de l'échantillon biologique (sang et dérivés, urine, selles, ...) | Cotation B* ou RIHN ou Liste Complémentaire | Délai de rendu maximum à partir de la réception de l'échantillon au laboratoire Lundi à Vendredi | Principe de la méthode (Préciser l'identification de la méthode si méthode automatisée et le nombre ou préciser méthode manuelle, ainsi que la technique mise en œuvre) | Référence de la méthode (Préciser la référence du ou des documents et leur version, et le cas échéant, méthode adaptée/développée) | Evolution (ajout, changement affectant les performances de la méthode,...) et Remarque Année prévisionnelle de la demande d'extension |
|--------|--|---------------------------------------|-------------------------------|--|-----------|---|---|---|--|--|--|
| IUCT-O | Oncogénétique | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC07 | BRCA2 Rearrangements grande taille / recherche c.156-157insAlu Cas index ou apparenté | OUI | Sang total ADN | RIHN | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | Séquençage NGS puis Recherche de la mutation c.156-157insAlu sur BRCA2 par Traitement bio-informatique interne Brossanova | B (Méthode adaptée et développée) LBM MO 0116 LBM MO 0115 LBM MO 0131 LBM MO 0132 | |
| IUCT-O | Oncogénétique | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC04 | APC Exons-introns et bornes introniques Cas index ou apparenté | OUI | Sang total ADN | RIHN | Urgence : délai 1 mois. Analyse réalisée sur 2 prélèvements indépendants si anomalie détectée | Sangerextraction des nucléotides:Easy two Qasysphony,PCR,Séquençage sur génétic analyser 3500 | B (Méthode adaptée et développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0024 LBM MO 0169 LBM MO 0174 LBM MO 0127 LBM MO 0125 | |
| IUCT-O | Oncogénétique | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC04 | BRCA1 Exons-introns et bornes introniques Cas index ou Apparenté | OUI | Sang total ADN | RIHN | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | Sangerextraction des nucléotides:Easy two Qasysphony,PCR,Séquençage sur génétic analyser 3500 | B (Méthode adaptée et développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0024 LBM MO 0169 LBM MO 0044 LBM MO 0127 LBM MO 0125 | |
| IUCT-O | Oncogénétique | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC04 | BRCA2 Exons-introns et bornes introniques Cas index ou apparenté | OUI | Sang total ADN | RIHN | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | Sangerextraction des nucléotides:Easy two Qasysphony,PCR,Séquençage sur génétic analyser 3500 | B (Méthode adaptée et développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0024 LBM MO 0169 LBM MO 0044 LBM MO 0127 LBM MO 0125 | |
| IUCT-O | Oncogénétique | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC04 | BRIP1 exons 6, 17 et 20 Cas index ou apparenté | Non | Sang total ADN | RIHN | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | Sangerextraction des nucléotides:Easy two Qasysphony,PCR,Séquençage sur génétic analyser 3500 | B (Méthode adaptée et développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0024 LBM MO 0169 LBM MO 0044 LBM MO 0127 LBM MO 0125 | pas d'accréditation; technique à visée de recherche |
| IUCT-O | Oncogénétique | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC04 | CDH1 cas index ou apparenté | OUI | Sang total ADN | RIHN | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | Sangerextraction des nucléotides:Easy two Qasysphony,PCR,Séquençage sur génétic analyser 3500 | B (Méthode adaptée et développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0024 LBM MO 0169 LBM MO 0044 LBM MO 0127 LBM MO 0125 | |
| IUCT-O | Oncogénétique | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC04 | CHX21 (exon 11 Recherche de: c.1100delC, exon 13 Cas index ou apparenté | Non | Sang total ADN | RIHN | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | Sangerextraction des nucléotides:Easy two Qasysphony,PCR,Séquençage sur génétic analyser 3500 | B (Méthode adaptée et développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0024 LBM MO 0169 LBM MO 0044 LBM MO 0127 LBM MO 0125 | |
| IUCT-O | Oncogénétique | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC04 | DDX41 (exons 1 à 16) Cas index ou apparenté | Non | Sang total ADN | RIHN | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | Sangerextraction des nucléotides:Easy two Qasysphony,PCR,Séquençage sur génétic analyser 3500 | B (Méthode adaptée et développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0024 LBM MO 0169 LBM MO 0044 LBM MO 0127 LBM MO 0125 | |
| IUCT-O | Oncogénétique | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC04 | GATA2 (exons 3, 4, 5 et 6) Cas index ou apparenté | Non | Sang total ADN | RIHN | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | Sangerextraction des nucléotides:Easy two Qasysphony,PCR,Séquençage sur génétic analyser 3500 | B (Méthode adaptée et développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0024 LBM MO 0169 LBM MO 0044 LBM MO 0127 LBM MO 0125 | |
| IUCT-O | Oncogénétique | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC04 | MUH1 Exons-introns et bornes introniques Cas index ou apparenté | OUI | Sang total ADN | RIHN | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | Sangerextraction des nucléotides:Easy two Qasysphony,PCR,Séquençage sur génétic analyser 3500 | B (Méthode adaptée et développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0024 LBM MO 0169 LBM MO 0044 LBM MO 0127 LBM MO 0125 | |
| IUCT-O | Oncogénétique | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC04 | NDK2 Exons-introns et bornes introniques Cas index ou apparenté | OUI | Sang total ADN | RIHN | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | Sangerextraction des nucléotides:Easy two Qasysphony,PCR,Séquençage sur génétic analyser 3500 | B (Méthode adaptée et développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0024 LBM MO 0169 LBM MO 0044 LBM MO 0127 LBM MO 0125 | |
| IUCT-O | Oncogénétique | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC04 | MDHS Exons-introns et bornes introniques Cas index ou apparenté | OUI | Sang total ADN | RIHN | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | Sangerextraction des nucléotides:Easy two Qasysphony,PCR,Séquençage sur génétic analyser 3500 | B (Méthode adaptée et développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0024 LBM MO 0169 LBM MO 0044 LBM MO 0127 LBM MO 0125 | |
| IUCT-O | Oncogénétique | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC04 | MUTYH (Exons 1, 2, 3,4,5,6,7,8,9,11, 13, 15,16) Cas index ou apparenté | OUI | Sang total ADN | RIHN | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | Sangerextraction des nucléotides:Easy two Qasysphony,PCR,Séquençage sur génétic analyser 3500 | B (Méthode adaptée et développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0024 LBM MO 0169 LBM MO 0044 LBM MO 0127 LBM MO 0125 | Ajout des exons : 4,5,6,8,9,11,16 en portée flexible |
| IUCT-O | Oncogénétique | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC04 | PALB2 Cas index ou apparenté | OUI | Sang total ADN | RIHN | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | Sangerextraction des nucléotides:Easy two Qasysphony,PCR,Séquençage sur génétic analyser 3500 | B (Méthode adaptée et développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0024 LBM MO 0169 LBM MO 0044 LBM MO 0127 LBM MO 0125 | |
| IUCT-O | Oncogénétique | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC04 | POLO1 (Exons 11 et 12) Cas index ou apparenté | Non | Sang total ADN | RIHN | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | Sangerextraction des nucléotides:Easy two Qasysphony,PCR,Séquençage sur génétic analyser 3500 | B (Méthode adaptée et développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0024 LBM MO 0169 LBM MO 0044 LBM MO 0127 LBM MO 0125 | |
| IUCT-O | Oncogénétique | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC04 | PTEN Cas index ou apparenté | OUI | Sang total ADN | RIHN | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | Sangerextraction des nucléotides:Easy two Qasysphony,PCR,Séquençage sur génétic analyser 3500 | B (Méthode adaptée et développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0024 LBM MO 0169 LBM MO 0044 LBM MO 0127 LBM MO 0125 | |
| IUCT-O | Oncogénétique | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC04 | RAD 51C (Exons 2 à 9) Cas index ou apparenté | Non | Sang total ADN | RIHN | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | Sangerextraction des nucléotides:Easy two Qasysphony,PCR,Séquençage sur génétic analyser 3500 | B (Méthode adaptée et développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0024 LBM MO 0169 LBM MO 0044 LBM MO 0127 LBM MO 0125 | |
| IUCT-O | Oncogénétique | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC04 | RAD 51D (Exons 5, 6, 7, 8) Cas index ou apparenté | Non | Sang total ADN | RIHN | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | Sangerextraction des nucléotides:Easy two Qasysphony,PCR,Séquençage sur génétic analyser 3500 | B (Méthode adaptée et développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0024 LBM MO 0169 LBM MO 0044 LBM MO 0127 LBM MO 0125 | |

| Site | Lieu de réalisation des opérations (Sites EBMD/pôles cliniques/services cliniques pour les EBMD, service/UF, ...) | Spécialité | Code de portée (SH INF 50) | Examen | Accrédité | Nature de l'échantillon biologique (sang et dérivés, urine, selles, ...) | Cotation B* ou RIHN ou Liste Complémentaire | Délai de rendu maximum à partir de la réception de l'échantillon au laboratoire Lundi à Vendredi | Principe de la méthode (Préciser l'identification de l'équipement si méthode automatisée et le nombre ou préciser méthode manuelle, ainsi que la technique mise en œuvre) | Référence de la méthode (Préciser la référence du ou des documents et leur version, et le cas échéant, méthode adaptée/développée) | Evolution (ajout, changement affectant les performances de la méthode,...) et Remarque Année prévisionnelle de la demande d'extension |
|--------|--|---------------------------------------|-------------------------------|---|-----------|---|---|---|--|--|--|
| IUCT-Q | Oncogénétique | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC04 | TP53 Cas index ou apparenté | OUI | Sang total ADN | RIHN | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | Sangerextraction des nucléiques:Easy two . Qasymphony,PCR,Séquençage sur génétic analyser 3500 | B (Méthode adaptée et développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0024 LBM MO 0169 LBM MO 0046 LBM MO 0127 LBM MO 0125 LBM MO 0128 LBM MO 0129 | |
| IUCT-Q | Oncogénétique | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC04 | Tous gènes analysés au laboratoire cas index ou apparenté | Non | salive, frottis jugal | RIHN | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | Sangerextraction des nucléiques:Easy two . Qasymphony,PCR,Séquençage sur génétic analyser 3500 | B (Méthode adaptée et développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0024 LBM MO 0169 LBM MO 0046 LBM MO 0127 LBM MO 0125 LBM MO 0128 LBM MO 0129 | |
| IUCT-Q | Oncogénétique - Génétique moléculaire | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC03 | APC Réarrangements grande taille Cas index ou apparenté | Non | Sang total ADN | LC | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | MLPA : extraction addes nucléiques : Easy two Qasymphony , PCR, Multiprob ligation dédié- analyse des fragments sur Genetic Analyser 3500 | B (Méthode développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0041 LBM MO 0334 LBM MO 0125 LBM MO 0127 LBM MO 0128 LBM MO 0129 | |
| IUCT-Q | Oncogénétique - Génétique moléculaire | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC03 | BRCA1 Réarrangements grande taille Cas index ou apparenté | Non | Sang total ADN | LC | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | MLPA : extraction addes nucléiques : Easy two Qasymphony , PCR, Multiprob ligation dédié- analyse des fragments sur Genetic Analyser 3500 | B (Méthode développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0041 LBM MO 0334 LBM MO 0125 LBM MO 0127 LBM MO 0128 LBM MO 0129 | |
| IUCT-Q | Oncogénétique - Génétique moléculaire | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC03 | BRCA1 Réarrangements grande taille Cas index ou apparenté | OUI | Sang total ADN | LC | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | MLPA : extraction addes nucléiques : Easy two Qasymphony , PCR, Multiprob ligation dédié- analyse des fragments sur Genetic Analyser 3500 | B (Méthode développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0041 LBM MO 0334 LBM MO 0125 LBM MO 0127 LBM MO 0128 LBM MO 0129 | |
| IUCT-Q | Oncogénétique - Génétique moléculaire | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC03 | BRCA2/Réarrangements grande taille Cas index ou apparenté | OUI | Sang total ADN | LC | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | MLPA : extraction addes nucléiques : Easy two Qasymphony , PCR, Multiprob ligation dédié- analyse des fragments sur Genetic Analyser 3500 | B (Méthode développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0041 LBM MO 0334 LBM MO 0125 LBM MO 0127 LBM MO 0128 LBM MO 0129 | |
| IUCT-Q | Oncogénétique - Génétique moléculaire | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC03 | BRCA2/Réarrangements grande taille Cas index ou apparenté | OUI | Sang total ADN | LC | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | MLPA : extraction addes nucléiques : Easy two Qasymphony , PCR, Multiprob ligation dédié- analyse des fragments sur Genetic Analyser 3500 | B (Méthode développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0041 LBM MO 0334 LBM MO 0125 LBM MO 0127 LBM MO 0128 LBM MO 0129 | |
| IUCT-Q | Oncogénétique - Génétique moléculaire | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC03 | CHEK2 Réarrangements grande taille Cas index ou apparenté | Non | Sang total ADN | RIHN | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | MLPA : extraction addes nucléiques : Easy two Qasymphony , PCR, Multiprob ligation dédié- analyse des fragments sur Genetic Analyser 3500 | B (Méthode développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0041 LBM MO 0334 LBM MO 0125 LBM MO 0127 LBM MO 0128 LBM MO 0129 | |
| IUCT-Q | Oncogénétique - Génétique moléculaire | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC03 | EPCAM/TACTS01 Réarrangements grande taille Cas index ou apparenté | Non | Sang total ADN | LC | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | MLPA : extraction addes nucléiques : Easy two Qasymphony , PCR, Multiprob ligation dédié- analyse des fragments sur Genetic Analyser 3500 | B (Méthode développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0041 LBM MO 0334 LBM MO 0125 LBM MO 0127 LBM MO 0128 LBM MO 0129 | |
| IUCT-Q | Oncogénétique - Génétique moléculaire | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC03 | MLH1 Réarrangements grande taille Cas index ou apparenté | Non | Sang total ADN | LC | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | MLPA : extraction addes nucléiques : Easy two Qasymphony , PCR, Multiprob ligation dédié- analyse des fragments sur Genetic Analyser 3500 | B (Méthode développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0041 LBM MO 0334 LBM MO 0125 LBM MO 0127 LBM MO 0128 LBM MO 0129 | |
| IUCT-Q | Oncogénétique - Génétique moléculaire | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC03 | MSH2 Réarrangements grande taille Cas index ou apparenté | Non | Sang total ADN | LC | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | MLPA : extraction addes nucléiques : Easy two Qasymphony , PCR, Multiprob ligation dédié- analyse des fragments sur Genetic Analyser 3500 | B (Méthode développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0041 LBM MO 0334 LBM MO 0125 LBM MO 0127 LBM MO 0128 LBM MO 0129 | |
| IUCT-Q | Oncogénétique - Génétique moléculaire | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC03 | MSH6 Réarrangements grande taille Cas index ou apparenté | Non | Sang total ADN | LC | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | MLPA : extraction addes nucléiques : Easy two Qasymphony , PCR, Multiprob ligation dédié- analyse des fragments sur Genetic Analyser 3500 | B (Méthode développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0041 LBM MO 0334 LBM MO 0125 LBM MO 0127 LBM MO 0128 LBM MO 0129 | |
| IUCT-Q | Oncogénétique - Génétique moléculaire | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC03 | PALB2 Réarrangements grande taille Cas index ou apparenté | Non | Sang total ADN | LC | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | MLPA : extraction addes nucléiques : Easy two Qasymphony , PCR, Multiprob ligation dédié- analyse des fragments sur Genetic Analyser 3500 | B (Méthode développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0041 LBM MO 0334 LBM MO 0125 LBM MO 0127 LBM MO 0128 LBM MO 0129 | |
| IUCT-Q | Oncogénétique - Génétique moléculaire | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC03 | PMS2 Réarrangements grande taille Cas index ou apparenté | Non | Sang total ADN | LC | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | MLPA : extraction addes nucléiques : Easy two Qasymphony , PCR, Multiprob ligation dédié- analyse des fragments sur Genetic Analyser 3500 | B (Méthode développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0041 LBM MO 0334 LBM MO 0125 LBM MO 0127 LBM MO 0128 LBM MO 0129 | |
| IUCT-Q | Oncogénétique - Génétique moléculaire | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC03 | PTEN Réarrangements grande taille Cas index ou apparenté | Non | Sang total ADN | LC | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | MLPA : extraction addes nucléiques : Easy two Qasymphony , PCR, Multiprob ligation dédié- analyse des fragments sur Genetic Analyser 3500 | B (Méthode développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0041 LBM MO 0334 LBM MO 0125 LBM MO 0127 LBM MO 0128 LBM MO 0129 | |
| IUCT-Q | Oncogénétique - Génétique moléculaire | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC03 | RAD51C Réarrangements grande taille Cas index ou apparenté | Non | Sang total ADN | LC | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | MLPA : extraction addes nucléiques : Easy two Qasymphony , PCR, Multiprob ligation dédié- analyse des fragments sur Genetic Analyser 3500 | B (Méthode développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0041 LBM MO 0334 LBM MO 0125 LBM MO 0127 LBM MO 0128 LBM MO 0129 | |
| IUCT-Q | Oncogénétique - Génétique moléculaire | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC03 | RAD51D Réarrangements grande taille Cas index ou apparenté | Non | Sang total ADN | LC | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | MLPA : extraction addes nucléiques : Easy two Qasymphony , PCR, Multiprob ligation dédié- analyse des fragments sur Genetic Analyser 3500 | B (Méthode développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0041 LBM MO 0334 LBM MO 0125 LBM MO 0127 LBM MO 0128 LBM MO 0129 | |
| IUCT-Q | Oncogénétique - Génétique moléculaire | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC03 | SMN1 Réarrangements grande taille Cas index ou apparenté | Non | Sang total ADN | LC | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | MLPA : extraction addes nucléiques : Easy two Qasymphony , PCR, Multiprob ligation dédié- analyse des fragments sur Genetic Analyser 3500 | B (Méthode développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0041 LBM MO 0334 LBM MO 0125 LBM MO 0127 LBM MO 0128 LBM MO 0129 | |
| IUCT-Q | Oncogénétique - Génétique moléculaire | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC03 | STX11 Réarrangements grande taille Cas index ou apparenté | Non | Sang total ADN | LC | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | MLPA : extraction addes nucléiques : Easy two Qasymphony , PCR, Multiprob ligation dédié- analyse des fragments sur Genetic Analyser 3500 | B (Méthode développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0041 LBM MO 0334 LBM MO 0125 LBM MO 0127 LBM MO 0128 LBM MO 0129 | |
| IUCT-Q | Oncogénétique - Génétique moléculaire | Génétique constitutionnelle (GENCOBM) | BM GC03 | TP53 Réarrangements grande taille Cas index ou apparenté | Non | Sang total ADN | LC | urgence : 15 j Standard 5 mois maximum | MLPA : extraction addes nucléiques : Easy two Qasymphony , PCR, Multiprob ligation dédié- analyse des fragments sur Genetic Analyser 3500 | B (Méthode développée) LBM MO 0015 LBM MO 0023 LBM MO 0041 LBM MO 0334 LBM MO 0125 LBM MO 0127 LBM MO 0128 LBM MO 0129 | |

| Site | Lieu de réalisation des opérations (Sites EBMD/pôles cliniques/services cliniques pour les EBMD, service/UF, ...) | Spécialité | Code de portée (SH INF 50) | Examen | Accrédité | Nature de l'échantillon biologique (sang et dérivés, urine, selles, ...) | Cotation B* ou RIHN ou Liste Complémentaire | Délai de rendu maximum à partir de la réception de l'échantillon au laboratoire Lundi à Vendredi | Principe de la méthode (Préciser l'identification de l'équipement si méthode automatisée et le nombre ou préciser méthode manuelle, ainsi que la technique mise en œuvre) | Référence de la méthode (Préciser la référence du ou des documents et leur version, et le cas échéant, méthode adaptée/développée) | Evolution (ajout, changement affectant les performances de la méthode,...) et Remarque Année prévisionnelle de la demande d'extension |
|--|--|-------------------------------|-------------------------------|--|-----------|---|---|---|---|---|--|
| IUCT-O | Oncogénétique | Génétique somatique (GENSOBM) | BM G507 | BRCA Tumeur | OUI | ADN tumoral | RIHN | urgence : 21 j Standard : 2 mois maximum à partir de la réception de l'ADN au laboratoire | Séquençage NGS à partir du panel HRBv2 : ADN extrait par le laboratoire d'Anapath PCR. Séquençage haut débit, Traitement bio-informatique interne : Biosanova Génés analysés : BRCA1 et BRCA2 les CNV ne sont pas recherchés par ce test | B (Méthode adaptée et développée) IHM MO 0015 IHM MO 0017 IHM MO 0023 IHM MO 0034 IHM MO 0116 IHM MO 0115 IHM MO 0131 IHM MO 0132 | |
| IUCT-O | Oncogénétique | Génétique somatique (GENSOBM) | BM G507 | Panel HBOC (Génés BRCA1, BRCA2, CDH1, MLH1, MSH2, MSH6, PALB2, PMS2, PTEN, RAD51C, RAD51D, TP53) | OUI | ADN tumoral | RIHN | urgence : 21 j Standard : 2 mois maximum à partir de la réception de l'ADN au laboratoire | Séquençage NGS à partir du panel HRBv2 : ADN extrait par le laboratoire d'Anapath PCR. Séquençage haut débit, Traitement bio-informatique interne : Biosanova les CNV ne sont pas recherchés par ce test | B (Méthode adaptée et développée) IHM MO 0015 IHM MO 0017 IHM MO 0023 IHM MO 0024 IHM MO 0116 IHM MO 0115 IHM MO 0131 IHM MO 0132 | |
| IUCT-O | Oncogénétique | Génétique somatique (GENSOBM) | BM G507 | Panel DIGE Réduit (Génés CDH2, MLH1, MSH2, MSH6, PMS2, PTEN) | OUI | ADN tumoral | RIHN | urgence : 21 j Standard : 2 mois maximum à partir de la réception de l'ADN au laboratoire | Séquençage NGS à partir du panel HRBv2 : ADN extrait par le laboratoire d'Anapath PCR. Séquençage haut débit, Traitement bio-informatique interne : Biosanova les CNV ne sont pas recherchés par ce test. | B (Méthode adaptée et développée) IHM MO 0015 IHM MO 0017 IHM MO 0023 IHM MO 0033 IHM MO 0116 IHM MO 0115 IHM MO 0131 IHM MO 0132 | |
| IUCT-O | Oncogénétique | Génétique somatique (GENSOBM) | BM G507 | Panel PANC réduit (génés BRCA1, BRCA2, MLH1, MSH2, MSH6, PALB2, PMS2) | OUI | ADN tumoral | RIHN | urgence : 21 j Standard : 2 mois maximum à partir de la réception de l'ADN au laboratoire | Séquençage NGS à partir du panel HRBv2 : ADN extrait par le laboratoire d'Anapath PCR. Séquençage haut débit, Traitement bio-informatique interne : Biosanova les CNV ne sont pas recherchés par ce test. | B (Méthode adaptée et développée) IHM MO 0015 IHM MO 0017 IHM MO 0023 IHM MO 0033 IHM MO 0116 IHM MO 0115 IHM MO 0131 IHM MO 0132 | |
| IUCT-O | Oncogénétique | Génétique somatique (GENSOBM) | BM G507 | Panel PROS (génés ATM, BARD1, BRCA1, BRCA2, BRIP1, CHEK2, HOXB13, MLH1, MSH2, MSH6, PALB2, PMS2, RAD51C, RAD51D, TP53) | OUI | ADN tumoral | RIHN | urgence : 21 j Standard : 2 mois maximum à partir de la réception de l'ADN au laboratoire | Séquençage NGS à partir du panel HRBv2 : ADN extrait par le laboratoire d'Anapath PCR. Séquençage haut débit, Traitement bio-informatique interne : Biosanova les CNV ne sont pas recherchés par ce test | B (Méthode adaptée et développée) IHM MO 0015 IHM MO 0017 IHM MO 0023 IHM MO 0033 IHM MO 0116 IHM MO 0115 IHM MO 0131 IHM MO 0132 | |
| IUCT-O | Oncogénétique | Génétique somatique (GENSOBM) | BM G507 | HRBv2 tumeur | OUI | ADN tumoral | RIHN | urgence : 21 j Standard : 2 mois maximum à partir de la réception de l'ADN au laboratoire | Séquençage NGS : ADN extrait par le laboratoire d'anapath. Séquençage haut débit. Traitement bio-informatique interne : Biosanova Génés analysés (à la demande) : ATM, ATR, BARD1, BRCA1, BRCA2, BRIP1, CDH1, COK12, CHEK1, CHEK2, EPCAM, FAM175A, FANCA, FANCI, FANCM, FANCI, MLH1, MLH3, MLH31A, MLH31B, NBN, PALB2, PMS2, PARP1, POLO, PP2932A, PTEN, RAD50, RAD51B, RAD51C, RAD51D, RAD54L, TP53, TP53BP13 les CNV ne sont pas recherchés par ce test | B (Méthode adaptée et développée) IHM MO 0015 IHM MO 0017 IHM MO 0023 IHM MO 0033 IHM MO 0116 IHM MO 0115 IHM MO 0131 IHM MO 0132 | |
| IUCT-O | Biologie prospective | Biologie Moléculaire | BM G503 | Test PROSIGNA (PAM 50) | Non | ARNs tumoraux | RIHN | 7 à 15 j | Dosage de la signature pronostique d'expression génique (50 gènes, signature PAM50) dans le cancer du sein, à partir d'un extrait total de l'ADN tumoral, après séparation des gènes fixes en fragments et codage en parafine, après hybridation avec des sondes fluorescentes et détection digitale par la technologie nCounter (Nanostring Technologies) | B (Méthode adaptée et développée) IHM MO 0107 | |
| IUCT-O | Biologie prospective | Biologie Moléculaire | BM G507 | HRRIQ | Non | Sang total | RIHN | 21 j | Séquençage NGS à partir du plasma extraction addés nucléiques (QIAAMP Circulating Nucleic Acids QiaGen), PCR. Séquençage haut débit, Traitement bio-informatique interne : Biosanova Génés dans le panel : ATM, ATR, BARD1, BRCA1, BRCA2, BRIP1, CDH1, COK12, CHEK1, CHEK2, EPCAM, FAM175A, FANCA, FANCI, FANCM, FANCI, MLH1, MLH3, MLH31A, MLH31B, NBN, PALB2, PMS2, PARP1, POLO, PP2932A, PTEN, RAD50, RAD51B, RAD51C, RAD51D, RAD54L, TP53, TP53BP13 | B (Méthode adaptée et développée) IHM MO 0017 IHM MO 0157 IHM MO 0143 | |
| IUCT-O | Biologie prospective | Biologie Moléculaire | BM G504 | ESR1 | Non | Sang total | RIHN | 8 j | Recherche par PCR digitale de mutation du gène ESR1 dans l'ADN tumoral circulant | IHM MO 0162 | |
| IUCT-O | Biologie prospective | Biologie Moléculaire | BM G507 | MSK (panel NGS MSK Access 146 gènes) | Non | Sang total | RIHN | 21 j | Séquençage NGS : à partir du plasma extraction addés nucléiques (QIAAMP Circulating Nucleic Acids QiaGen), PCR. Séquençage haut débit, Traitement bio-informatique 146 Génés analysés | IHM MO 0176 | |
| Biochimie CHU d Trackcare Hémostase CHU d Trackcare Hématologie cellulaire d Trackcare | | | | | | | | | | | |